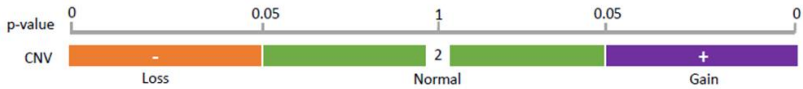


Supplementary Figure 3



Copy number values:



		Summary of the detected copy number detection																							
		Chromosomes																							
		1p	1q	2q	3q	4q	5q	6q	7p	7q	8q	9q	11p	12p	13q	14q	15q	16q	17q	17p	18p	20q	22q	Xp	
Lignées	iPSC_4F_Tie2_Sv190																								
	iPSC_4F_PBMC_Sv190																								
	iPSC_4F_Tie2_Sv191																								
	iPSC_4F_PBMC_Sv191																								
	iPSC_4F_Tie2_Sv192																								
	iPSC_4F_PBMC_Sv192																								

iCS-digital™ PSC test report : The iCS-digital™ PSC 24-probe test will capture over 93% of recurrent defects in hPSCs, including the 20q11.21 amplification that accounts for 1/4 of recurrent abnormalities in hPSCs worldwide. (<https://www.stemgenomics.com/range-of-assays/genomic-stability-karyotyping-assays/fast-ipsc-qc-test/>)



INS non signé

CYTOGENETIQUE, RECHERCHE

Nom naissance : CYTOGENETIQUE
Prénom(s) de naissance : RECHERCHE
Nom usuel : CYTOGENETIQUE
Prénom usuel : RECHERCHE
DDN : 01/01/1901 Age : 123 ans Sexe : Masculin

Adresse : CYTOGENETIQUE - PTB
PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON
IPP CHU : 000112468466 NAD : 044255155

Copie à :
CYTOGENETIQUE RECHERCHE

CYTOGENETIQUE - PTB
PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON

Demande : 2420601221



Prélevé le : 24/07/2024 16:20

Service : 6153 GENETIQUE CHROMOSOMIQUE

Prescripteur : CALLIER Patrick
RPPS : 10000989185

Généré le : 04/09/2024 11:58 Compte-rendu : Partiel

Analyses	Résultats	Unités	Val. Réf.	Antériorités	Biologiste
----------	-----------	--------	-----------	--------------	------------

Changement de notre système informatique de laboratoire entrainant une rupture d'antériorité des résultats précédents le 24/06/2024 sur nos comptes rendus. Les techniques de réalisation des examens sont inchangées, les résultats restent comparables.

GENETIQUE CHROMOSOMIQUE ET MOLECULAIRE - Tel 03.80.29.34.89

Pr P. Callier - Dr B. Aral - Dr J. Bloch - Dr P-J. Francin - Dr N. Marle - Dr A-L. Mosca - Dr N. Nadal - Dr V. Pillay
Laboratoire agréé pour la pratique des examens des caractéristiques génétiques à des fins médicales.
(Décision ARSBFC/DOS/PSH20191150 - 28 janvier 2019)

Cytogénétique constitutionnelle postnatal (ADN)

CGH-array postnatal

Technique	CGH-ARRAY	CAPA
Matériel :	AUTRE : lignée / IPSC 190 PBMC SeV P24	CAPA
ADN Témoin	Témoin du même sexe	CAPA
Type de puce	Oligo-array 180K	CAPA
Résolution	25 kb	CAPA
Fabricant	AGILENT	CAPA
Nombre de sondes déviantes	> ou = 3	CAPA
Algorithme	ADM2	CAPA
DLRS	0.14	CAPA
DLRS < 0,15 - Très bonne qualité; DLRS = 0,15 - 0,25 - bonne qualité; DLRS > 0,25 - 0,30 - qualité médiocre; DLRS > 0,30 - Qualité insuffisante.		
Version du génome :	GRCh37	CAPA
Formule ISCN :	2020	CAPA
Résultat selon la nomenclature	arr(X,Y)x1,(1-22)x2	CAPA

Conclusion

Après hybridation de l'ADN du patient contre l'ADN du témoin du même sexe, aucun déséquilibre génomique délétère n'a été décelé au seuil de résolution de la technique. Le résultat est interprété en fonction des connaissances actuelles concernant les variations polymorphes du génome. Conseil génétique recommandé.

Validé le : 04/09/2024

Validé le :
04/09/2024

Les mosaïques à faible taux et les réarrangements équilibrés ne sont pas décelés par cette technique. Les polymorphismes de nombre de copies décrits dans la littérature qui ont été décelés ne sont pas mentionnés. Les résultats sont à interpréter en fonction du contexte clinique et familial et dépendent des connaissances et limites actuelles des techniques et des bases de données génomiques sur les polymorphismes.





INS non signé

CYTOGENETIQUE, RECHERCHE

Nom naissance : CYTOGENETIQUE
Prénom(s) de naissance : RECHERCHE
Nom usuel : CYTOGENETIQUE
Prénom usuel : RECHERCHE
DDN : 01/01/1901 Age : 123 ans Sexe : Masculin

Adresse : CYTOGENETIQUE - PTB
PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON
IPP CHU : 000112468466 NAD : 044255155

Copie à :

CYTOGENETIQUE RECHERCHE

CYTOGENETIQUE - PTB
PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON

Demande : 2420601267



Prélevé le : 24/07/2024 16:43

Service : 6153 GENETIQUE CHROMOSOMIQUE

Prescripteur : CALLIER Patrick
RPPS : 10000989185

Généré le : 04/09/2024 11:59

Compte-rendu : Partiel

Analyses

Résultats Unités

Val. Réf.

Antériorités

Biologiste

Changement de notre système informatique de laboratoire entrainant une rupture d'antériorité des résultats précédents le 24/06/2024 sur nos comptes rendus. Les techniques de réalisation des examens sont inchangées, les résultats restent comparables.

GENETIQUE CHROMOSOMIQUE ET MOLECULAIRE - Tel 03.80.29.34.89

Pr P. Callier - Dr B. Aral - Dr J. Bloch - Dr P-J. Francin - Dr N. Marle - Dr A-L. Mosca - Dr N. Nadal - Dr V. Pillay
Laboratoire agréé pour la pratique des examens des caractéristiques génétiques à des fins médicales.
(Décision ARSBFC/DOS/PSH20191150 - 28 janvier 2019)



CHU Dijon Bourgogne - Laboratoire de Biologie et de Pathologie

Patient : **CYTOGENETIQUE, RECHERCHE**
 Nom naiss. : CYTOGENETIQUE
 DDN : 01/01/1901 Age : 123 ans Sexe : Masculin
 IPP CHU : 000112468466

Demande : 2420601267 Partiel
 Prélevé le : 24/07/2024 16:43 Complet le :
 Prescripteur : CALLIER Patrick

Analyses	Résultats	Unités	Val. Réf.	Antériorités	Biologiste
----------	-----------	--------	-----------	--------------	------------

Cytogénétique constitutionnelle postnatal (ADN)

CGH-array postnatal

Technique	CGH-ARRAY <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
Matériel :	AUTRE : lignée / iPSC 191 PBMC SeV P18 <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
ADN Témoin	Témoin du même sexe <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
Type de puce	Oligo-array 180K <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
Résolution	25 kb <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
Fabricant	AGILENT <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
Nombre de sondes déviantes	> ou = 3 <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
Algorithme	ADM2 <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
DLRS	0.12 <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
DLRS < 0,15 - très bonne qualité; DLRS = 0,15 - 0,25 - bonne qualité; DLRS > 0,25 - 0,30 - qualité médiocre; DLRS > 0,30 - Qualité insuffisante.		
Version du génome :	GRCh37 <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
Formule ISCN :	2020 <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA
Résultat selon la nomenclature	arr(X,Y)x1,(1-22)x2 <i>iPSC 191 PBMC SeV P18</i>	CAPA

Conclusion

Après hybridation de l'ADN du patient contre l'ADN du témoin du même sexe, aucun déséquilibre génomique délétère n'a été décelé au seuil de résolution de la technique. Le résultat est interprété en fonction des connaissances actuelles concernant les variations polymorphes du génome. Conseil génétique recommandé.

Validé le : 04/09/2024

iPSC 191 PBMC SeV P18

CAPA
Validé le :
04/09/2024

Les mosaïques à faible taux et les réarrangements équilibrés ne sont pas décelés par cette technique. Les polymorphismes de nombre de copies décrits dans la littérature qui ont été décelés ne sont pas mentionnés. Les résultats sont à interpréter en fonction du contexte clinique et familial et dépendent des connaissances et limites actuelles des techniques et des bases de données génomiques sur les polymorphismes.





INS non signé

CYTOGENETIQUE, RECHERCHE

Nom naissance : CYTOGENETIQUE

Prénom(s) de naissance : RECHERCHE

Nom usuel : CYTOGENETIQUE

Prénom usuel : RECHERCHE

DDN : 01/01/1901 Age : 123 ans Sexe : Masculin

Adresse : CYTOGENETIQUE - PTB
PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON

IPP CHU : 000112468466

NAD : 044255155

Copie à :

CYTOGENETIQUE RECHERCHE

CYTOGENETIQUE - PTB
PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON

Demande : 2420601272



Prélevé le : 24/07/2024 16:44

Service : 6153 GENETIQUE CHROMOSOMIQUE

Prescripteur : CALLIER Patrick

RPPS : 10000989185

Généré le : 04/09/2024 11:55

Compte-rendu : Partiel

Analyses

Résultats

Unités

Val. Réf.

Antériorités

Biologiste

Changement de notre système informatique de laboratoire entrainant une rupture d'antériorité des résultats précédents le 24/06/2024 sur nos comptes rendus. Les techniques de réalisation des examens sont inchangées, les résultats restent comparables.

GENETIQUE CHROMOSOMIQUE ET MOLECULAIRE - Tel 03.80.29.34.89

Pr P. Callier - Dr B. Aral - Dr J. Bloch - Dr P.-J. Francin - Dr N. Marle - Dr A.-L. Mosca - Dr N. Nadal - Dr V. Pillay

Laboratoire agréé pour la pratique des examens des caractéristiques génétiques à des fins médicales.

(Décision ARSBFC/DOS/PSH20191150 - 28 janvier 2019)



CHU Dijon Bourgogne - Laboratoire de Biologie et de Pathologie

Patient : **CYTOGENETIQUE, RECHERCHE**
 Nom naiss. : CYTOGENETIQUE
 DDN : 01/01/1901 Age : 123 ans Sexe : Masculin
 IPP CHU : 000112468466

Demande : 2420601272 Partiel
 Prélevé le : 24/07/2024 16:44 Complet le :
 Prescripteur : CALLIER Patrick

Analyses Résultats Unités Val. Réf. Antériorités Biologiste

Cytogénétique constitutionnelle postnatal (ADN)

CGH-array postnatal

Technique	CGH-ARRAY <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
Matériel :	AUTRE : lignée / iPSC 192 PBMC SeV P16 <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
ADN Témoin	Témoin du même sexe <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
Type de puce	Oligo-array 180K <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
Résolution	25 kb <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
Fabricant	AGILENT <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
Nombre de sondes déviantes	> ou = 3 <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
Algorithme	ADM2 <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
DLRS	0.12 <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
DLRS <0,15 - très bonne qualité; DLRS = 0,15 - 0,25 - bonne qualité; DLRS > 0,25 - 0,30 - qualité médiocre; DLRS > 0,30 - Qualité insuffisante.		
Version du génome :	GRCh37 <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
Formule ISCN :	2020 <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA
Résultat selon la nomenclature	arr(X,Y)x1,(1-22)x2 <i>iPSC 192 PBMC SeV P16</i>	CAPA

Conclusion

Après hybridation de l'ADN du patient contre l'ADN du témoin du même sexe, aucun déséquilibre génomique délétère n'a été décelé au seuil de résolution de la technique. Le résultat est interprété en fonction des connaissances actuelles concernant les variations polymorphes du génome. Conseil génétique recommandé.

Validé le : 04/09/2024
iPSC 192 PBMC SeV P16

CAPA
 Validé le :
 04/09/2024

Les mosaïques à faible taux et les réarrangements équilibrés ne sont pas décelés par cette technique. Les polymorphismes de nombre de copies décrits dans la littérature qui ont été décelés ne sont pas mentionnés. Les résultats sont à interpréter en fonction du contexte clinique et familial et dépendent des connaissances et limites actuelles des techniques et des bases de données génomiques sur les polymorphismes.



CGH-array postnatale

N° Dossier	tie+ 4F		N° Examen	4-115-1852	
N° Dossier postnatal	4-115-1852		Sexe	MASCULIN	
Nom	CYTOGENETIQUE		Prénom	RECHERCHE	
Nom de naissance	CYTOGENETIQUE		Né(e) le	01/01/1901	
Date et heure prélèvement	24/04/2024 00:00		Département	21	
Date de la demande	24/04/2024	Date de réception	24/04/2024		
Prescripteur	CH MONTPELLIER - Dr Romain DESPRAT		Copies à		
Matériel	ADN sanguin	Indication	6 - Autre : recherche		
Technique	CGH-Array				
Type de puce	Oligo-array 180K	Résolution	25 kb	ADN Témoin	Témoin du même sexe
Nombre de sondes déviantes	> ou = 3	Algorithme	ADM2	DLRS	0.12
Résultat selon la nomenclature (ISCN 2020)	<p>DLRS < 0.15 - très bonne qualité ; DLRS = 0.15 - 0.25 - bonne qualité ; DLRS = 0.25-0.50 - qualité moyenne ; DLRS > 0.50 - qualité insuffisante</p> <p>arr(X,Y)x1,(1-22)x2</p> <p>Après hybridation de l'ADN du patient contre l'ADN du témoin du même sexe, aucun déséquilibre génomique délétère n'a été décelé au seuil de résolution de la technique. Le résultat est interprété en fonction des connaissances actuelles concernant les variations polymorphes du génome. Conseil génétique recommandé.</p>				
Commentaires					

Le résultat de l'examen des caractéristiques génétiques est rendu dans le cadre d'une consultation médicale adaptée prévue lors de la prescription et une copie du résultat doit être donnée au patient.
Les répétitions à faible taux et les réarrangements équilibrés ne sont pas détectés par cette technique. Les polymorphismes de nombre de copies décrits dans la littérature peuvent être décrits ou non par cette technique. Les résultats sont à interpréter en fonction du contexte clinique et familial et dépendent des connaissances et limites actuelles des techniques et des bases de données génétiques sur les polymorphismes.

Professeur Patrick CALLIER

Validé le 03/05/2024

Imprimé le 06/05/2024 à 12:57

CHU Dijon Bourgogne

Laboratoire de Biologie et de Pathologie

2 RUE ANGELIQUE DUCOUDRAY, BP 37013, 21000 DIJON – Tél : 03 80 29 56 77 Fax : 03 80 29 56 90

Site : POLE DE BIOLOGIE ET PATHOLOGIE – PLATEFORME DE BIOLOGIE HOSPITALO-UNIVERSITAIRE, 2 RUE ANGELIQUE DUCOUDRAY, 21000 DIJON

Responsable du laboratoire : Dr PASCAL GUERARD – Responsable du site : Dr Pascal GUERARD



Centre Hospitalier Universitaire
Dijon Bourgogne



INS non signé

CYTOGENETIQUE, RECHERCHE

Nom naissance : CYTOGENETIQUE

Prénom(s) de naissance : RECHERCHE

Nom usuel : CYTOGENETIQUE

Prénom usuel : RECHERCHE

DDN : 01/01/1901

Age : 123 ans

Sexe : Masculin

Adresse : CYTOGENETIQUE - PTB

PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON

IPP CHU : 000112468466

NAD : 044255155

Copie à :

CYTOGENETIQUE RECHERCHE

CYTOGENETIQUE - PTB

PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON

Demande : 2420601283



Prélevé le : 24/07/2024 16:49

Service : 6153 GENETIQUE CHROMOSOMIQUE

Prescripteur : CALLIER Patrick

RPPS : 10000989185

Généré le : 04/09/2024 11:52

Compte-rendu : Partiel

Analyses

Résultats

Unités

Val. Réf.

Antériorités

Biologiste

Changement de notre système informatique de laboratoire entrainant une rupture d'antériorité des résultats précédents le 24/06/2024 sur nos comptes rendus. Les techniques de réalisation des examens sont inchangées, les résultats restent comparables.

GENETIQUE CHROMOSOMIQUE ET MOLECULAIRE - Tel 03.80.29.34.89

Pr P. Callier - Dr B. Aral - Dr J. Bloch - Dr P.-J. Francin - Dr N. Marle - Dr A.-L. Mosca - Dr N. Nadal - Dr V. Pillay

Laboratoire agréé pour la pratique des examens des caractéristiques génétiques à des fins médicales.

(Décision ARSBFC/DOS/PSH20191150 - 28 janvier 2019)



CHU Dijon Bourgogne - Laboratoire de Biologie et de Pathologie

Patient : **CYTOGENETIQUE, RECHERCHE**
 Nom naiss. : CYTOGENETIQUE
 DDN : 01/01/1901 Age : 123 ans Sexe : Masculin
 IPP CHU : 000112468466

Demande : 2420601283 Partiel
 Prélevé le : 24/07/2024 16:49 Complet le :
 Prescripteur : CALLIER Patrick

Analyses	Résultats	Unités	Val. Réf.	Antériorités	Biologiste
----------	-----------	--------	-----------	--------------	------------

Cytogénétique constitutionnelle postnatal (ADN)

CGH-array postnatal

Technique	CGH-ARRAY <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Matériel :	AUTRE : lignée / IPSC 191 Tie2 + SeVP13 <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
ADN Témoin	Témoin du même sexe <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Type de puce	Oligo-array 180K <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Résolution	25 kb <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Fabricant	AGILENT <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Nombre de sondes déviantes	> ou = 3 <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Algorithme	ADM2 <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
DLRS	0.16 <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i> <small>DLRS <0,15 - très bonne qualité; DLRS = 0,15 - 0,25 - bonne qualité; DLRS > 0,25 - 0,30 - qualité médiocre; DLRS > 0,30 - Qualité insuffisante.</small>	CAPA
Version du génome :	GRCh37 <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Formule ISCN :	2020 <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Résultat selon la nomenclature	arr(X,Y)x1,(1-22)x2 <i>iPSC 190 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA

Conclusion

Après hybridation de l'ADN du patient contre l'ADN du témoin du même sexe, aucun déséquilibre génomique délétère n'a été décelé au seuil de résolution de la technique. Le résultat est interprété en fonction des connaissances actuelles concernant les variations polymorphes du génome. Conseil génétique recommandé.

Validé le : 04/09/2024
iPSC 190 Tie2+ SeV P13

CAPA
Validé le :
04/09/2024

Les mosaïques à faible taux et les réarrangements équilibrés ne sont pas décelés par cette technique. Les polymorphismes de nombre de copies décrits dans la littérature qui ont été décelés ne sont pas mentionnés. Les résultats sont à interpréter en fonction du contexte clinique et familial et dépendent des connaissances et limites actuelles des techniques et des bases de données génomiques sur les polymorphismes.





Centre Hospitalier Universitaire
Dijon Bourgogne



INS non signé

CHU Dijon Bourgogne

Laboratoire de Biologie et de Pathologie

2 RUE ANGELIQUE DUCOUDRAY, BP 37013, 21000 DIJON – Tél : 03 80 29 56 77 Fax : 03 80 29 56 90

Site : POLE DE BIOLOGIE ET PATHOLOGIE – PLATEFORME DE BIOLOGIE HOSPITALO-UNIVERSITAIRE, 2 RUE ANGELIQUE DUCOUDRAY, 21000 DIJON

Responsable du laboratoire : Dr PASCAL GUERARD – Responsable du site : Dr Pascal GUERARD

CYTOGENETIQUE, RECHERCHE

Nom naissance : CYTOGENETIQUE

Prénom(s) de naissance : RECHERCHE

Nom usuel : CYTOGENETIQUE

Prénom usuel : RECHERCHE

DDN : 01/01/1901

Age : 123 ans

Sexe : Masculin

Adresse : CYTOGENETIQUE - PTB
PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON

IPP CHU : 000112468466

NAD : 044255155

Copie à :

CYTOGENETIQUE RECHERCHE

CYTOGENETIQUE - PTB

PATIENT FICTIF RECHERCHE

21000 DIJON

Demande : 2420601280



Prélevé le : 24/07/2024 16:47

Service : 6153 GENETIQUE CHROMOSOMIQUE

Prescripteur : CALLIER Patrick

RPPS : 10000989185

Généré le : 04/09/2024 11:53

Compte-rendu : Partiel

Analyses

Résultats

Unités

Val. Réf.

Antériorités

Biologiste

Changement de notre système informatique de laboratoire entrainant une rupture d'antériorité des résultats précédents le 24/06/2024 sur nos comptes rendus. Les techniques de réalisation des examens sont inchangées, les résultats restent comparables.

GENETIQUE CHROMOSOMIQUE ET MOLECULAIRE - Tel 03.80.29.34.89

Pr P. Callier - Dr B. Arat - Dr J. Bloch - Dr P.-J. Francin - Dr N. Marle - Dr A.-L. Mosca - Dr N. Nadal - Dr V. Pillay

Laboratoire agréé pour la pratique des examens des caractéristiques génétiques à des fins médicales.

(Décision ARSBFC/DOS/PSH20191150 - 28 janvier 2019)



CHU Dijon Bourgogne - Laboratoire de Biologie et de Pathologie

Patient : **CYTOGENETIQUE, RECHERCHE**
 Nom naiss. : CYTOGENETIQUE
 DDD : 01/01/1901 Age : 123 ans Sexe : Masculin
 IPP CHU : 000112468466

Demande : 2420601280 Partiel
 Prélevé le : 24/07/2024 16:47 Complet le :
 Prescripteur : CALLIER Patrick

Analyses Résultats Unités Val. Réf. Antériorités Biologiste

Cytogénétique constitutionnelle postnatal (ADN)

CGH-array postnatal

Technique	CGH-ARRAY <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Matériel :	AUTRE : lignée / iPSC 192 Tie2 + SeV P23 <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
ADN Témoin	Témoin du même sexe <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Type de puce	Oligo-array 180K <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Résolution	25 kb <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Fabricant	AGILENT <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Nombre de sondes déviantes	> ou = 3 <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Algorithme	ADM2 <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
DLRS	0.18 <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i> DLRS <0,15 - très bonne qualité; DLRS = 0,15 - 0,25 - bonne qualité; DLRS > 0,25 - 0,30 - qualité médiocre; DLRS > 0,30 - Qualité insuffisante.	CAPA
Version du génome :	GRCh37 <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Formule ISCN :	2020 <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA
Résultat selon la nomenclature	arr(X,Y)x1,(1-22)x2 <i>iPSC 192 Tie2+ SeV P13</i>	CAPA

Conclusion

Après hybridation de l'ADN du patient contre l'ADN du témoin du même sexe, aucun déséquilibre génomique délétère n'a été décelé au seuil de résolution de la technique. Le résultat est interprété en fonction des connaissances actuelles concernant les variations polymorphes du génome. Conseil génétique recommandé.

Validé le : 04/09/2024
iPSC 192 Tie2+ SeV P13

CAPA
Validé le :
04/09/2024

Les mosaïques à faible taux et les réarrangements équilibrés ne sont pas décelés par cette technique. Les polymorphismes de nombre de copies décrits dans la littérature qui ont été décelés ne sont pas mentionnés. Les résultats sont à interpréter en fonction du contexte clinique et familial et dépendent des connaissances et limites actuelles des techniques et des bases de données génomiques sur les polymorphismes.

